Notification Concerning Submission or Transmittal of Priority Document

FORM PCT IB/304

日本国特許庁 14.5.2004 JAPAN PATENT RECUPCT/PTO 30 SEP 2005

10/551550

REC'D 08 JUL 2004

PCT

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出 願 年 月 日
Date of Application:

2003年 3月31日

出 願 番 号 Application Number:

特願2003-097301

[ST. 10/C]:

[JP2003-097301]

出 願 人
Applicant(s):

生化学工業株式会社

BEST AVAILABLE COPY

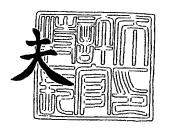
WIPO

PRIORITY DOCUMENT SUBMITTED OR TRANSMITTED IN

COMPLIANCE WITH RULE 17.1(a) OR (b)

特許庁長官 Commissioner, Japan Patent Office 2004年 6月21日





【書類名】

特許願

【整理番号】

J200300700

【あて先】

特許庁長官殿

【国際特許分類】

C12N 9/00

C12P 19/00

A61K 38/43

【発明者】

【住所又は居所】

東京都練馬区関町北1丁目18番地7 第3泉マンショ

ン305号室

【氏名】

田中 雅之

【発明者】

【住所又は居所】

東京都東大和市上北台1-902-226

【氏名】

京ヶ島 守

【特許出願人】

【識別番号】

000195524

【氏名又は名称】 生化学工業株式会社

【代理人】

【識別番号】

100124512

【弁理士】

【氏名又は名称】

堀口 努

【電話番号】

03-3270-0465

【手数料の表示】

【予納台帳番号】

062307

【納付金額】

21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】

明細書 1

【物件名】

図面 1

【物件名】

要約書 1

【包括委任状番号】

0300379

【プルーフの要否】 要

【書類名】 明細書

【発明の名称】 糖鎖の切断触媒

【特許請求の範囲】

【請求項1】 下記(A)又は(B)のタンパク質を必須成分とし、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する能力を有する触媒。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

【請求項2】 コンドロイチン、デルマタン硫酸及びケラタン硫酸を切断する 能力を有しないことを特徴とする、請求項1に記載の触媒。

【請求項3】 下記(A)又は(B)のタンパク質を必須成分とする、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖の特異的切断剤。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

【請求項4】 コンドロイチン、デルマタン硫酸及びケラタン硫酸を切断しない目的で用いられることを特徴とする、請求項3に記載の切断剤。

【請求項5】 下記(A)又は(B)のタンパク質を必須成分とし、生体組織中に存在するヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断するために用いられることを特徴とする医薬。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

【請求項6】 コンドロイチン、デルマタン硫酸及びケラタン硫酸を切断しない目的で用いられることを特徴とする、請求項5に記載の医薬。

【請求項7】 生体組織が、髄核であることを特徴とする、請求項5又は6に 記載の医薬。

【請求項8】 医薬が、椎間板ヘルニアの処置剤であることを特徴とする、請求項5~7のいずれか1項に記載の医薬。

【請求項9】 下記(A) 又は(B) のタンパク質を、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖に作用させる工程を少なくとも含む、当該糖鎖を特異的に切断する方法。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B)配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

【請求項10】 コンドロイチン、デルマタン硫酸及びケラタン硫酸を切断しないことを特徴とする、請求項9に記載の方法。

【請求項11】 下記(A)又は(B)のタンパク質を、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖に作用させる工程を少なくとも含む、低分子量化された当該糖鎖を特異的に生産する方法。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が 欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、ヒアルロン酸、コン

ドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

【請求項12】 低分子量化されたコンドロイチン、デルマタン硫酸及びケラタン硫酸を生産しないことを特徴とする、請求項11に記載の方法。

【請求項13】 下記(a)又は(b)のいずれかを保持するDNAを用いて タンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む 、請求項1又は2に記載の触媒の製造方法。

- (a)配列番号2で示されるアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするDN A。
- (b) 配列番号 2 で示されるアミノ酸配列における 1 もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列からなり、かつ、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸 A、コンドロイチン硫酸 C及びコンドロイチン硫酸 Dからなる群から選ばれる 1 又は 2 以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質をコードする DNA。

【請求項14】 下記(a)又は(b)のいずれかを保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、請求項3又は4に記載の切断剤の製造方法。

- (a)配列番号2で示されるアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするDNA。
- (b) 配列番号 2 で示されるアミノ酸配列における 1 もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列からなり、かつ、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸 A、コンドロイチン硫酸 C及びコンドロイチン硫酸 Dからなる群から選ばれる 1 又は 2 以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質をコードする DNA。

【請求項15】 下記(a)又は(b)のいずれかを保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、請求項5~8のいずれか1項に記載の医薬の製造方法。

(a)配列番号2で示されるアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするDN A。 (b) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列からなり、かつ、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質をコードするDNA。

【請求項16】 下記(A)又は(B)のタンパク質と他のペプチドとの融合タンパク質。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

【請求項17】 コンドロイチン、デルマタン硫酸及びケラタン硫酸を切断する能力を有しないことを特徴とする、請求項16に記載の融合タンパク質。

【発明の詳細な説明】

[0001]

【発明の属する技術分野】

本発明は、新規な糖鎖切断触媒、糖鎖の特異的切断剤等に関する。

[0002]

【従来の技術】

まず、本明細書中で共通して用いる略号について説明する。

[0003]

HA:ヒアルロン酸

CH:コンドロイチン

CSA:コンドロイチン硫酸A

CSC:コンドロイチン硫酸C

CSD:コンドロイチン硫酸D

DS (CSBと表記することもある) :デルマタン硫酸

GPC:ゲル浸透クロマトグラフィー

KS:ケラタン硫酸

なおCSAは、「グルクロン酸残基とN-アセチルガラクトサミン残基とが β 1, 3 グリコシド結合した二糖単位」が連続して結合されてなる分子であって、「グルクロン酸残基(β 1-3) 4 位が硫酸化されたN-アセチルガラクトサミン残基」からなる二糖単位を主たる構成成分とするCSである。

[0004]

CSCは、「グルクロン酸残基とN-アセチルガラクトサミン残基とが β 1, 3グリコシド結合した二糖単位」が連続して結合されてなる分子であって、「グルクロン酸残基(β 1-3) 6位が硫酸化されたN-アセチルガラクトサミン残基」からなる二糖単位を主たる構成成分とするCSである。

[0005]

CSDは、「グルクロン酸残基とN-アセチルガラクトサミン残基とが β 1, 3グリコシド結合した二糖単位」が連続して結合されてなる分子であって、「2位が硫酸化されたグルクロン酸残基(β 1-3)6位が硫酸化されたN-アセチルガラクトサミン残基」からなる二糖単位を主たる構成成分とするCSである。

[0006]

非特許文献1には、ヒアルロニダーゼの一種であるHYAL1が記載されている。また非特許文献2には、HYAL1の全アミノ酸配列及びこれをコードする cDNAの全塩基配列が開示されている。

[0007]

【非特許文献1】

The Journal of Biological Chemistry, Vol. 277, p33654-33663 (2002)

【非特許文献2】

Biochemical and biophysical research communications, 236(1), p10-15, (1997)

しかし、HYAL1がCH、CSB及びKSを切断する活性を実質的に有さず、CSA、CSC及びCSDを切断する活性を有することは知られていない。

[0008]

【発明が解決しようとする課題】

本発明は、HYAL1を必須成分とする新規な糖鎖切断触媒、糖鎖の特異的切断剤 等を提供することを課題とする。

[0009]

【課題を解決するための手段】

本発明者らは、上記課題を解決するために鋭意検討を行った結果、HYAL1を必須成分とする新規な糖鎖切断触媒、糖鎖の特異的切断剤及び医薬、並びにHYAL1を特定の糖鎖に作用させる工程を少なくとも含む糖鎖の特異的切断方法、HYAL1を特定の糖鎖に作用させる工程を少なくとも含む、低分子量化された当該糖鎖を特異的に生産する方法、HYAL1を保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、前記触媒の製造方法、HYAL1を保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、前記切断剤の製造方法、及びHYAL1を保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、前記切断剤の製造方法、及びHYAL1を保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、前記医薬の製造方法等を提供するに至った。

[0010]

すなわち本発明は、下記(A)又は(B)のタンパク質を必須成分とし、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する能力を有する触媒(以下、「本発明触媒」という)を提供する。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B)配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

[0011]

本発明触媒は、CH、DS及びKSを切断する能力を有しないものが好ましい

[0012]

また本発明は、下記(A)又は(B)のタンパク質を必須成分とする、HA、

CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖の特異的切断剤(以下、「本発明切断剤」という)を提供する。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

[0013]

本発明切断剤は、CH、DS及びKSを切断しない目的で用いられるものが好ましい。

[0014]

また本発明は、下記(A)又は(B)のタンパク質を必須成分とし、生体組織中に存在するHA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断するために用いられることを特徴とする医薬(以下、「本発明医薬」という)を提供する。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B)配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

[0015]

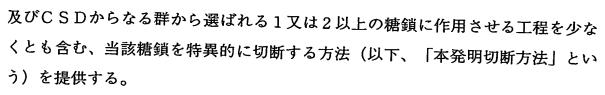
本発明医薬は、CH、DS及びKSを切断しない目的で用いられるものが好ましい。

[0016]

また、本発明医薬による切断対象となる糖鎖が存在する「生体組織」は、髄核であることが好ましい。また本発明医薬は、椎間板ヘルニアの処置剤であることが好ましい。

[0017]

また本発明は、下記(A)又は(B)のタンパク質を、HA、CSA、CSC



- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

[0018]

本発明切断方法は、CH、DS及びKSを切断しないことが好ましい。

[0019]

また本発明は、下記(A)又は(B)のタンパク質を、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖に作用させる工程を少なくとも含む、低分子量化された当該糖鎖を特異的に生産する方法(以下、「本発明糖鎖生産方法」という)を提供する。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

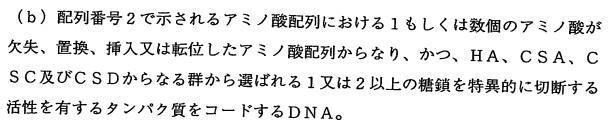
[0020]

本発明糖鎖生産方法は、低分子量化されたCH、DS及びKSを生産しないことが好ましい。

[0021]

また本発明は、下記(a)又は(b)のいずれかを保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、本発明触媒の製造方法(以下、「本発明触媒製造方法」という)を提供する。

(a)配列番号2で示されるアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするDN A。



[0022]

また本発明は、下記(a)又は(b)のいずれかを保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、本発明切断剤の製造方法(以下、「本発明切断剤製造方法」という)を提供する。

- (a)配列番号2で示されるアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするDNA。
- (b)配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列からなり、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質をコードするDNA。

[0023]

また本発明は、下記(a)又は(b)のいずれかを保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、本発明医薬の製造方法(以下、「本発明医薬製造方法」という)を提供する。

- (a)配列番号2で示されるアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするDN A。
- (b)配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列からなり、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質をコードするDNA。

[0024]

さらに本発明は、下記(A)又は(B)のタンパク質と他のペプチドとの融合タンパク質(以下、「本発明融合タンパク質」という)を提供する。

(A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。

(B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

本発明融合タンパク質は、CH、DS及びKSを切断する能力を有しないものが好ましい。

[0025]

【発明の実施の形態】

以下、本発明を、発明の実施の形態によって詳説する。

<1>本発明触媒

本発明触媒は、下記(A)又は(B)のタンパク質を必須成分とし、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する能力を有する触媒である。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

[0026]

(A) のタンパク質はHYAL1のタンパク質である。

[0027]

なお、天然に存在するタンパク質には、それをコードするDNAの多型や変異の他、生成後のタンパク質の細胞内及び精製中の修飾反応などによってそのアミノ酸配列中にアミノ酸の置換、欠失、挿入又は転位等の変異が起こりうるが、それにもかかわらず変異を有しないタンパク質と実質的に同等の生理、生物学的活性を示すものがあることが知られている。このように(A)のタンパク質に対して構造的に若干の差違があってもその機能については大きな違いが認められないタンパク質も、本発明触媒の必須成分として用いることができる。人為的にタンパク質のアミノ酸配列に上記のような変異を導入した場合も同様であり、この場

合にはさらに多種多様の変異体を作製することが可能である。例えば、ヒトインターロイキン2 (IL-2) のアミノ酸配列中の、あるシステイン残基をセリンに置換したポリペプチドがインターロイキン2活性を保持することが知られている(Science, 224, 1431(1984))。また、ある種のタンパク質は、活性には必須でないペプチド領域を有していることが知られている。例えば、細胞外に分泌されるタンパク質に存在するシグナルペプチドや、プロテアーゼの前駆体等に見られるプロ配列などがこれにあたり、これらの領域のほとんどは翻訳後、又は活性型タンパク質への転換に際して除去される。このようなタンパク質は、一次構造上は異なった形で存在しているが、最終的には(A)のタンパク質と同等の機能を有するタンパク質である。上記の(B)のタンパク質は、このようなタンパク質を規定するものである。

[0028]

本明細書において「数個のアミノ酸」とは、HYAL1の活性が失われない程度の変異を起こしてもよいアミノ酸の数を示し、例えば600アミノ酸残基からなるタンパク質の場合、2~30程度、好ましくは2~15、より好ましくは2~8以下の数を示す。

[0029]

また本発明触媒における上記(A)及び(B)のタンパク質のアミノ酸配列には、他のタンパク質やペプチドのアミノ酸配列が含まれていても良い。すなわち上記(A)及び(B)のタンパク質は、他のペプチドとの融合タンパク質であっても良い。本発明は、このような上記(A)又は(B)のタンパク質と他のペプチドとの融合タンパク質(本発明融合タンパク質)をも提供する。本明細書における「他のペプチド」という用語は、「ポリペプチド」を含む概念として用いる

[0030]

本発明融合タンパク質としては、HYAL1とマーカーペプチドとの融合タンパク質等が例示される。このような本発明融合タンパク質は、精製や分析を容易にすることができるというメリットがある。上記マーカーペプチドとしては例えばFLAGペプチド、プロテインA、インスリンシグナル配列、His、CBP(カルモジ

ユリン結合タンパク質)、GST(グルタチオン Sートランスフェラーゼ)などが 挙 げられる。例えばFLAGペプチドとの融合タンパク質は、抗FLAG抗体を結合させ た固相を用いたアフィニティークロマトグラフィーによって簡便に精製することができる。プロテインAとの融合タンパク質は、IgGを結合させた固相を用いたアフィニティークロマトグラフィーによって簡便に精製することができる。同様に、Hisタグとの融合タンパク質については磁性ニッケルを結合させた固相を 用いることができる。またインスリンシグナルとの融合タンパク質は、細胞外 (培地等)に分泌されることから、細胞破砕等の抽出操作が不要となる。本発明融合タンパク質は、なかでもFLAGペプチドとの融合タンパク質であることが好ましい。

[0031]

本発明融合タンパク質は、以下の通り製造することができる。

[0032]

まず、前記(A)のタンパク質(配列番号 2 におけるアミノ酸番号 $1\sim435$ で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質)をコードする DNA(以下「DNA(a)」という)を用意する。この DNAは、配列番号 2 におけるアミノ酸番号 $1\sim435$ で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質をコードするものである限りにおいて特に限定されない。このような DNA としては、遺伝暗号の縮重によって種々の異なったヌクレオチド配列を有する DNA が存在するが、配列番号 1 におけるヌクレオチド番号 $1\sim1308$ で示されるヌクレオチド配列によって特定される DNA が好ましい。この DNA は、GenBank accession No. U03056 として登録されている。

[0033]

また、前記(A)のタンパク質に代えて前記(B)のタンパク質をコードする DNA(以下「DNA(b)」という)を用いてもよい。「DNA(b)」は、前記(A)のアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有する限りにおいて特に限定されない。

[0034]

これらの糖鎖を切断する活性を有するか否かは、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって検出することができる。例えば、後述の実施例に示すようなGPCにおける糖鎖のピークの移動によって検出することができ、この方法によって検出されることが好ましい。

[0035]

また、HA、CSA、CSC及びCSD以外の種々の基質(糖鎖)を用いて、GPCにおける糖鎖のピークの移動の有無を検出することにより、HA、CSA、CSC及びCSDに対する切断活性の特異性の有無を検出することができる。このような方法によって、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を保持しているアミノ酸の欠失、置換、挿入又は転位を容易に選択することができる。

このような「DNA(b)」としては、例えば「DNA(a)」若しくは当該DNAに相補的なDNA又はこれらのDNAの塩基配列を有するDNAと、ストリンジェントな条件下でハイブリダイズするDNAが例示される。

[0036]

ここで「ストリンジェントな条件」とは、いわゆる特異的なハイブリッドが形成され、非特異的なハイブリッドが形成されない条件をいう(Sambrook, J. et al., Molecular CloninGlcaboratory Manual, second Edition, Cold Spring Ha rbor Laboratory Press(1989)等参照)。「ストリンジェントな条件」として具体的には、50%ホルムアミド、 $4\times SSC$ 、50mMHEPES(pH7.0)、 $10\times Den$ hardt's solution、 $100\mu g/ml$ サケ精子DNAを含む溶液中、42 でハイブリダイズさせ、次いで室温で $2\times SSC$ 、0.1% SDS溶液、<math>50 でで $0.1\times SSC$ 、0.1% SDS溶液で洗浄する条件が挙げられる。

[0037]

上記DNA(a)又はDNA(b)のいずれかを保持するDNAを用いたタンパク質の発現は、当該DNAが保持されたベクター(好ましくは発現ベクター)を用いて行うことが好ましい。DNAのベクターへの組込みは、通常の方法によって行うことができる。

[0038]

DNAを導入するベクターとしては、例えば、導入したDNAを発現させるこ とができる適当な発現ベクター (ファージベクター或いはプラスミドベクター等)を使用することができ、本発明ベクターを組込む宿主細胞に応じて適宜選択で きる。このような宿主-ベクター系としては、大腸菌(E. coli)と、pET15b (N ovagen社製)、pTrcHis(インビトロゲン社製)、pGEX(ファルマシア バイオ テック社製)、pTrc99(ファルマシア バイオテック社製)、pKK233-3(ファル マシア バイオテック社製)、pEZZZ18 (ファルマシア バイオテック社製)、p CH110 (ファルマシア バイオテック社製)、pBAD (インビトロゲン社製)、pRS ET(インビトロゲン社製)又はpSE420(インビトロゲン社製)等の原核細胞用の 発現ベクターとの組み合わせ、COS細胞や3LL-HK46細胞などの哺乳類細胞と、pGI R201 (Kitagawa, H., and Paulson, J. C. (1994) J. Biol. Chem. 269, 1394-1 401) , pEF-BOS (Mizushima, S., and Nagata, S. (1990) Nucleic Acid Res. 1 8, 5322) , pCXN2(Niwa, H., Yamanura, K. and Miyazaki, J. (1991) Gene 108 , 193-200)、pCMV-2(イーストマン コダック(Eastman Kodak)製)、pCEV18、p ME18S (丸山ら, Med. Immunol., 20, 27(1990)) 又はpSVL (ファルマシア バイ オテック社製)等の哺乳類細胞用発現ベクターの組み合わせのほか、宿主細胞と して昆虫細胞、酵母、枯草菌などが例示され、これらに対応する各種ベクターが 例示される。上述の宿主-ベクター系の中でも特に原核細胞 (特に大腸菌細胞) とpET15bとの組み合わせが好ましい。

[0039]

DNAを組込むベクターは、目的とするタンパク質とマーカーペプチドとの融合タンパク質を発現するように構築されたものを用いることができる。DNAからのタンパク質の発現及び発現されたタンパク質の採取も、通常の方法に従って行うことができる。

[0040]

例えば、目的とするDNAが組み込まれた発現ベクターを適当な宿主に導入することによって宿主を形質転換し、この形質転換体を生育させ、その生育物から発現されたタンパク質を採取することによって行うことができる。



本発明触媒は、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する能力を有しており、この能力の有無も、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって検出することができる。その方法の説明は前記と同様である。なかでも、HA、CSA、CSC及びCSDの4種類の糖鎖のみを特異的に切断する能力を有するものが好ましい。

[0042]

また本発明触媒は、CH、DS及びKSを切断する能力を有しないものが好ましい。CH、DS及びKSに対する切断能力の有無も、前記と同様にCH、DS又はKSを基質として用いて、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって検出することができる。

[0043]

本発明触媒は、少なくとも前記の(A)又は(B)のタンパク質を含んでいればよい。すなわち本発明触媒は、前記の(A)又は(B)のタンパク質自体をそのまま本発明触媒としてもよく、前記の(A)又は(B)のタンパク質に加えて、これらのタンパク質に悪影響を与えず、かつ、本発明の効果に影響を与えない限りにおいて、他の成分を含有させてもよい。

[0044]

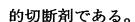
本発明触媒の製造方法も特に限定されず、天然物から上記(A)又は(B)のタンパク質を単離してもよく、化学合成等によって上記(A)又は(B)のタンパク質を製造してもよく、遺伝子工学的手法によって上記(A)又は(B)のタンパク質を製造してもよい。遺伝子工学的手法によって本発明触媒を製造する方法については、後述の本発明触媒製造方法を参照されたい。

[0045]

本発明触媒の形態も限定されず、溶液形態、凍結形態、凍結乾燥形態、担体と 結合した固定化酵素形態のいずれであってもよい。

<2>本発明切断剤

本発明切断剤は、下記(A)又は(B)のタンパク質を必須成分とする、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖の特異



- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B)配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

[0046]

本発明切断剤は、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1 又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有しており、この能力の有無も、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって検出することができる。その方法の説明は前記と同様である。なかでも、HA、CSA、CSC及びCSDの4種類の糖鎖のみを特異的に切断する切断剤であることが好ましい。

[0047]

また本発明切断剤は、CH、DS及びKSを切断する能力を有しないものが好ましい。CH、DS及びKSに対する切断能力の有無も、前記と同様にCH、DS又はKSを基質として用いて、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって検出することができる。

[0048]

そして本発明切断剤は、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断するために用いられるが、このような目的の下でCH、DS及びKSを切断しない目的で用いられることが好ましい。

[0049]

本発明切断剤の製剤化には、公知の方法を用いることができる。また本発明切断剤の形態も特に限定されず、例えば溶液状態、凍結状態、凍結乾燥状態、担体と結合した固定化酵素形態のいずれであってもよい。

[0050]

本発明切断剤に関するその他の説明は、前記の「<1>本発明触媒」と同様である。遺伝子工学的手法によって本発明切断剤を製造する方法については、後述の本発明切断剤製造方法を参照されたい。



<3>本発明医薬

本発明医薬は、下記(A)又は(B)のタンパク質を必須成分とし、生体組織中に存在するHA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断するために用いられることを特徴とする医薬である。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

[0051]

本発明医薬は、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有しており、この能力の有無も、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって検出することができる。その方法の説明は前記と同様である。なかでも、HA、CSA、CSC及びCSDの4種類の糖鎖のみを特異的に切断する医薬であることが好ましい。

[0052]

また本発明医薬は、CH、DS及びKSを切断する能力を有しないものが好ましい。CH、DS及びKSに対する切断能力の有無も、前記と同様にCH、DS又はKSを基質として用いて、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって検出することができる。

[0053]

そして本発明医薬は、生体組織中に存在するHA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断するために用いられるが、このような目的の下でCH、DS及びKSを切断しない目的で用いられることが好ましい。

[0054]

また本発明医薬が適用される生体組織は、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断することが望まれる生体組織である限りにおいて特に限定されない。例えば、HA、CSA、CSC及



びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖が、健常状態におけるレベルよりも過剰に存在しているような生体組織が挙げられる。このような生体組織として具体的には髄核が例示され、なかでも椎間板ヘルニアの状態にある髄核が好ましい。すなわち本発明医薬は、椎間板ヘルニアの処置剤であることが好ましい。本明細書における「処置」の用語には、予防、進行抑制(悪化防止)、改善、治療等を目的とする処置が含まれる。

[0055]

近年、コンドロイチナーゼを椎間板に投与して髄核を融解し、椎間板ヘルニアを治療する試みが現に行われている(米国特許第4696816号、Clinical 0 rthopaedics, 253, 301-308 (1990))。このことから、コンドロイチン硫酸を切断する活性を有する本発明医薬は、同様に椎間板ヘルニアの処置剤として十分に利用しうるものである。

[0056]

そして本発明医薬が適用される動物も特に限定されないが、脊椎動物であることが好ましく、なかでも哺乳類であることが好ましい。哺乳類としては、ヒト、イヌ、ネコ、ウサギ、ウマ、ヒツジ等が提示されるが、ヒトに対して適用されるものが特に好ましい。

[0057]

本発明医薬の投与方法は、本発明医薬による生体組織中のHA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖の特異的切断作用が発揮される限りにおいて特に限定されないが、例えば注射による投与が挙げられる。本発明医薬を髄核に適用する場合には、目的とする髄核が存在する椎間板又は脊髄硬膜外腔に注射することが好ましい。

[0058]

投与方法に応じて上記(A)又は(B)のタンパク質を適宜製剤化して、本発明医薬とすることができる。剤形としては、注射剤(溶液、懸濁液、乳濁液、用時溶解用固形剤等)、錠剤、カプセル剤、液剤等が挙げられる。なかでも注射剤が好ましい。

本発明医薬の投与量は、上記(A)又は(B)のタンパク質の種類、比活性、投

与される動物の種類や症状等、投与対象となる生体組織の種類やその状態等によって個別的に設定されるべきものであり、特に限定されない。

[0059]

本発明医薬に関するその他の説明は、前記の「<1>本発明触媒」と同様である。遺伝子工学的手法によって本発明医薬を製造する方法については、後述の本発明医薬製造方法を参照されたい。

< 4 >本発明切断方法

本発明切断方法は、下記(A)又は(B)のタンパク質を、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖に作用させる工程を少なくとも含む、当該糖鎖を特異的に切断する方法である。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B)配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

[0060]

上記(A)及び(B)のタンパク質に関する説明は、前記の「<1>本発明触媒」と同様である。上記(A)又は(B)のタンパク質を、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖に作用させる方法は、これらの分子が相互に接触して酵素反応が生ずる状態となる限りにおいて特に限定されず、例えば前者に後者を添加してもよく、後者に前者を添加してもよく、両者を同時に添加してもよい。

[0061]

また、上記(A)及び(B)のタンパク質を担体(例えば、ゲル、ビーズ、膜、プレート等)に固定させ、これとHA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖とを接触させてもよい。

[0062]

両者を接触させた後の反応の条件は、上記(A)又は(B)のタンパク質が作用する条件である限りにおいて特に限定されないが、これらのタンパク質の至適

pH付近(例えば $pH4\sim pH5$ 程度)で反応させることが好ましく、当該pH下で緩衝作用を有する緩衝液中で反応を行うことがより好ましい。またこのときの温度も、これらのタンパク質の活性が保持されている限りにおいて特に限定されないが、35 $\mathbb{C}\sim 40$ \mathbb{C} 程度が例示される。またこれらのタンパク質の活性を増加させる物質がある場合には、その物質を添加してもよい。反応時間は、pH条件、温度条件、作用させるタンパク質及び糖鎖の量、及びどの程度の切断(低分子量化)を所望するか等によって適宜調節することができる。反応時間を長くすれば切断(低分子量化)の程度を増すことができ、反応時間を短くすればその程度を減ずることができる。

[0063]

また本発明切断方法には、このようなタンパク質の作用工程が少なくとも含まれていればよく、さらに他の工程が含まれていてもよい。

[0064]

本発明切断方法によって、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖が特異的に切断される。これらの糖鎖が切断されたか否かは、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって検出することができる。その方法の説明は前記と同様である。なかでも、HA、CSA、CSC及びCSDの4種類の糖鎖のみを特異的に切断する方法であることが好ましい。

[0065]

また本発明切断方法は、CH、DS及びKSを切断しないことが好ましい。CH、DS及びKSが切断されていないことも、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって検出することができる。

[0066]

すなわち本発明切断方法は、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断するために用いられるが、このような目的の下でCH、DS及びKSを切断しない目的で用いられることが好ましい

[0067]

本発明切断方法に関するその他の説明は、前記の「<1>本発明触媒」と同様



< 5 >本発明糖鎖生産方法

本発明糖鎖生産方法は、下記(A)又は(B)のタンパク質を、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖に作用させる工程を少なくとも含む、低分子量化された当該糖鎖を特異的に生産する方法である。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

[0068]

本発明糖鎖生産方法により、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖が低分子量化された糖鎖を特異的に生産することができる。低分子量化された糖鎖が生産されたか否かは、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって確認することができる。その方法の説明は前記と同様である。なかでも、HA、CSA、CSC及びCSDの4種類の糖鎖のみを特異的に生産する方法であることが好ましい。

[0069]

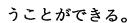
また本発明糖鎖生産方法は、低分子量化されたCH、DS及びKSを生産しないことが好ましい。CH、DS及びKSが生産されていないことも、低分子量化した糖鎖の一般的な検出方法によって確認することができる。

[0070]

すなわち本発明糖鎖生産方法は、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断するために用いられるが、このような目的の下でCH、DS及びKSを切断しない目的で用いられることが好ましい。

[0071]

生成物から低分子量化された糖鎖を単離する方法等は、公知の方法によって行



[0072]

本発明糖鎖生産方法に関するその他の説明は、前記の「<1>本発明触媒」及び「<4>本発明切断方法」と同様である。

<6>本発明触媒製造方法

本発明触媒製造方法は、下記(a)又は(b)のいずれかを保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、本発明触媒の製造方法である。

- (a)配列番号2で示されるアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするDN A。
- (b)配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列からなり、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質をコードするDNA。

[0073]

上記(a)のDNAは、配列番号2で示されるアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするものである限りにおいて特に限定されない。このようなDNAとしては、遺伝暗号の縮重によって種々の異なった塩基配列を有するDNAが存在するが、配列番号1で示される塩基配列によって特定されるDNAが好ましい。配列番号1で示されるDNAは、GenBank accession No. U03056 として登録されている。

[0074]

上記(b)のDNAも、配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列からなり、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質をコードするものである限りにおいて特に限定されない。このようなDNAとしては、例えば上記(a)に記載のDNA若しくは当該DNAに相補的なDNA又はこれらのDNAの塩基配列を有するDNAと、ストリンジェントな条件下でハイブリダイズするDNAが例示され



る。

[0075]

ここで「ストリンジェントな条件」とは、いわゆる特異的なハイブリッドが形成され、非特異的なハイブリッドが形成されない条件をいう(Sambrook, J. et al., Molecular Cloning A Laboratory Manual, second Edition, Cold Spring Harbor Laboratory Press(1989)等参照)。「ストリンジェントな条件」として具体的には、50%ホルムアミド、 $4 \times S$ S C、50mMH E P E S(pH7.0)、 $10 \times D$ enhardt's solution、 100μ g/ml サケ精子DNAを含む溶液中、42℃でハイブリダイズさせ、次いで室温で $2 \times S$ S C、0.1% S D S 溶液で洗浄する条件が挙げられる。

[0076]

上記(a)又は(b)のいずれかを保持するDNAを用いたタンパク質の発現は、当該DNAが保持されたベクター(好ましくは発現ベクター)を用いて行うことが好ましい。DNAのベクターへの組込みは、通常の方法によって行うことができる。

[0077]

DNAを導入するベクターとしては、例えば、導入したDNAを発現させることができる適当な発現ベクター(ファージベクター或いはプラスミドベクター等)を使用することができ、本発明ベクターを組込む宿主細胞に応じて適宜選択できる。このような宿主一ベクター系としては、COS細胞、3LL-HK46細胞などの哺乳類細胞と、pGIR201(Kitagawa, H., and Paulson, J. C. (1994)J. Biol. Chem. 269, 1394-1401)、pEF-BOS(Mizushima, S., and Nagata, S. (1990)Nucleic Acid Res. 18, 5322)、pCXN2(Niwa, H., Yamanura, K. and Miyazaki, J. (1991)Gene 108, 193-200)、pCMV-2(イーストマン コダック(Eastman Kodak)製)、pCEV18、pME18S(丸山ら、Med. Immuno1., 20, 27(1990))又はpSVL(ファルマシア バイオテック社製)等の哺乳類細胞用発現ベクターとの組み合わせ、大腸菌(E. coli)と、pTrcHis(インビトロゲン社製)、pGEX(ファルマシアバイオテック社製)、pTrc99(ファルマシアバイオテック社製)、pKK233-3(ファルマシアバイオテック社製)、pTrc99(ファルマシアバイオテック社製)、pKK233-3(ファルマシアバイオテック社製)、pEZZZ18(ファルマシアバイオテック社

製)、pCH110(ファルマシア バイオテック社製)、pET(ストラタジーン社製)、pBAD(インビトロゲン社製)、pRSET(インビトロゲン社製)、及びpSE420(インビトロゲン社製)等の原核細胞用の発現ベクターとの組み合わせ、昆虫細胞とバキュロウイルスとの組み合わせのほか、宿主細胞として酵母、枯草菌などが例示され、これらに対応する各種ベクターが例示される。上述の宿主ーベクター系の中でも特に哺乳類細胞(特にCOS細胞)とpFLAG-CMV6(SIGMA社製)との組み合わせが好ましい。

[0078]

また、DNAを組込むベクターは、目的とするタンパク質とマーカーペプチドとの融合タンパク質を発現するように構築されたものを用いることもできる。DNAからのタンパク質の発現及び発現されたタンパク質の採取も、通常の方法に従って行うことができる。

[0079]

例えば、目的とするDNAが組み込まれた発現ベクターを適当な宿主に導入することによって宿主を形質転換し、この形質転換体を生育させ、その生育物から発現されたタンパク質を採取することによって行うことができる。

[0080]

ここで「生育」とは、形質転換体である細胞や微生物自体の増殖や、形質転換体である細胞を組み込んだ動物・昆虫等の生育を含む概念である。また、ここでいう「生育物」とは、形質転換体を生育させた後の培地(培養液の上清)及び培養された宿主細胞・分泌物・排出物等を包含する概念である。生育の条件(培地や培養条件等)は、用いる宿主に合わせて適宜選択できる。

[0081]

生育物からのタンパク質の採取も、タンパク質の公知の抽出・精製方法によって行うことができる。

[0082]

例えば目的とするタンパク質が、培地(培養液の上清)中に分泌される可溶性 の形態で産生される場合には、培地を採取し、これをそのまま用いてもよい。ま た目的とするタンパク質が細胞質中に分泌される可溶性の形態、又は不溶性(膜 結合性)の形態で産生される場合には、窒素キャビテーション装置を用いる方法、ホモジナイズ、ガラスビーズミル法、音波処理、浸透ショック法、凍結融解法等の細胞破砕による抽出、界面活性剤抽出、又はこれらの組み合わせ等の処理操作によって目的とするタンパク質を抽出することができ、その抽出物をそのまま用いてもよい。

[0083]

これらの培地や抽出物から、タンパク質をさらに精製することもできる。精製は、不完全な精製(部分精製)であっても、完全な精製であってもよく、目的とするタンパク質の使用目的等に応じて適宜選択することができる。

[0084]

精製方法として具体的には、例えば硫酸アンモニウム(硫安)や硫酸ナトリウム等による塩析、遠心分離、透析、限外濾過法、吸着クロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィー、疎水性クロマトグラフィー、逆相クロマトグラフィー、ゲルろ過法、ゲル浸透クロマトグラフィー、アフィニティークロマトグラフィー、電気泳動法等や、これらの組み合わせ等の処理操作が挙げられる。

[0085]

目的とするタンパク質が製造されたか否かは、アミノ酸配列、作用、基質特異性等を分析することによって確認することができる。

[0086]

また本発明切断方法には、以上のような発現・採取工程が少なくとも含まれていればよく、さらに他の工程が含まれていてもよい。

< 7 >本発明切断剤製造方法

本発明切断剤製造方法は、下記(a)又は(b)のいずれかを保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、本発明切断剤の製造方法である。

- (a)配列番号2で示されるアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするDNA。
- (b) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列からなり、かつ、HA、CSA、C

SC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する 活性を有するタンパク質をコードするDNA。

[0087]

本発明切断剤製造方法に関するその他の説明は、前記の「< 6 >本発明触媒製造方法」と同様である。

< 8 >本発明医薬製造方法

本発明医薬製造方法は、下記(a)又は(b)のいずれかを保持するDNAを用いてタンパク質を発現させ、発現されたタンパク質を採取する工程を少なくとも含む、本発明医薬の製造方法である。

- (a)配列番号2で示されるアミノ酸配列からなるタンパク質をコードするDN A。
- (b)配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列からなり、かつ、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質をコードするDNA。

[0088]

本発明医薬製造方法に関するその他の説明は、前記の「< 6 >本発明触媒製造方法」と同様である。

[0089]

【実施例】

以下に、本発明の実施例を具体的に説明する。しかしながら、これらによって本発明の技術的範囲が限定されるものではない。

(1) HYAL1遺伝子の発現

COS-7細胞を、10%のウシ胎児血清を含むDMEM培地中で約 $20\sim40\%$ コンフルエントになるまで培養した。培養は $5\%CO_2$ の下で37%で実施した。

配列番号1で示される塩基配列(HYAL1のcDNA)をpFLAG-CMV6ベクターに組み込んだヒアルロニダーゼ発現ベクターを、TransFast Transfection kit (Promega 社製)を用いてCOS-7細胞にトランスフェクトし、10%のウシ胎児血清を

含むDMEM培地中、37℃で3日間培養した。培養は5%CO₂の下で37℃ で実施した.

また、配列番号1で示される塩基配列(HYAL1のcDNA)が組み込まれていない pFLAG-CMV6ベクターをトランスフェクトした細胞についても、同様に培養した。

(2)酵素液の調製

上記(1)で培養された細胞(HYAL1のcDNAを組み込んだ発現ベクターをトランスフェクトしたもの、又はHYAL1のcDNAを組み込んでいない発現ベクターをトランスフェクトしたもの)を、10mM Tris-HCl(pH7.4又はpH6.0)、0.5% Triton X-100及び0.25M シュークロースを含有する溶液中、氷冷下でセルスクレーパーを用い破砕した。この破砕後の液をそのまま酵素液として用いた。

(3) 基質特異性の解析

(2)で調製された酵素液を種々の基質と反応させることによって、酵素の基質特異性を解析した。反応は、0.25%の各種基質、0.15M NaCl、及び50mM 酢酸ナトリウム緩衝液(pH 4又はpH5)又はリン酸ナトリウム緩衝液(pH6又はpH7)を含有する反応混合液に(2)で調製された酵素を最終濃度20%(vol/vol)となるよう添加し、37℃で4日間インキュベートすることによって行った。ここで用いた基質は、以下の通りである。

* H S: (鶏冠由来; 生化学工業株式会社製)

*CH: (サメ由来; 生化学工業株式会社製)

* C S A (クジラ軟骨由来;生化学工業株式会社製)

このCSは、生化学工業株式会社の試薬カタログコード番号400650として同社から販売されているものであり、以下の性質を有する。

- ・セルロースアセテート膜電気泳動で単一のバンドを示す。
- ・窒素含量:2.4~2.8% (Z.Anal.Chem., 22, p366(1883)に記載の方法で測定)
- ・硫黄含量: 6.2~ 6.6 % (Mikrochim.Acta., 123(1955)に記載の方法で測定)
- ・ガラクトサミン含量:32.0~37.0%(アミノ酸自動分析器)
- ・グルクロン酸含量:35.0~40.0% (カルバゾール反応)

- ・分子量:25,000~50,000 (Biochem. J., 23, pp517(1929)に記載の方法で測定)
- · 4-硫酸/6-硫酸:80/20 (J.Biol.Chem., 243, p1536 (1968)に記載の方法で測定)
- *DS(ブタ皮由来;生化学工業株式会社製)

このDS (CSB) は、生化学工業株式会社の試薬カタログコード番号400660 として同社から販売されているものであり、以下の性質を有する。

- ・赤外分光光度計で純粋と判断される
- · 窒素含量:2.4~2.9% (Z. Anal. Chem., 22, p366(1883)に記載の方法で測定)
- ・硫黄含量:6.2~6.9% (Mikrochim. Acta., p123(1955)に記載の方法で測定)
- ・ガラクトサミン含量:32.0~37.0%(アミノ酸自動分析器)
- ・イズロン酸含量:36.0~42.0% (カルバゾール反応)
- ・分子量:11,000~25,000 (Biochem. J., 23, p517(1929)に記載の方法で測定)
- *CSC(サメ軟骨由来;生化学工業株式会社製)

このCSは、生化学工業株式会社の試薬カタログコード番号400670として同社から販売されているものであり、以下の性質を有する。

- ・セルロースアセテート膜電気泳動で単一のバンドを示す。
- ・窒素含量:2.3~2.7% (Z.Anal.Chem., 22, p366(1883)に記載の方法で測定)
- ・硫黄含量:6.4~6.8 (Mikrochim.Acta., p123(1955)に記載の方法で測定)
- ・ガラクトサミン含量:32.0~37.0%(アミノ酸自動分析器)
- ・グルクロン酸含量:34.0~39.0% (カルバゾール反応)
- ・分子量:40,000~80,000 (Biochem. J., 23, pp517(1929)に記載の方法で測定)
- ・4-硫酸/6-硫酸:10/90 (J.Biol.Chem., 243, pl536 (1968)に記載の

方法で測定)

*CSD(サメ軟骨由来;生化学工業株式会社製)

このCSは、生化学工業株式会社の試薬カタログコード番号400676として同社から販売されているものであり、以下の性質を有する。

窒素含量:2.2~2.6% (Z.Anal.Chem., 22, p366(1883)に記載の方法で測定)

硫黄含量:7.1~7.7% (Mikrochim. Acta., 123(1955)に記載の方法で測定)

ガラクトサミン含量:30~35% (アミノ酸自動分析器)

グルクロン酸含量:32~35% (カルバゾール反応)

*KS(ウシ角膜由来;生化学工業株式会社製)

このKSは、生化学工業株式会社の試薬カタログコード番号400760として同社から販売されているものであり、以下の性質を有する。

- ・セルロースアセテート膜電気泳動で単一のバンドを示す。
- ・窒素含量:2.2~3.0% (Z.Anal.Chem., 22, p366(1883)に記載の方法で測定)
- ・硫黄含量:6.5~8.0% (Mikrochim. Acta., pl23(1955)に記載の方法で測定)
- ・ガラクトース含量:34~40%(Biochem. J., 50, p298 (1952)に記載の方 法で測定)
- ・ガラクトサミン含量:検出限界以下(アミノ酸自動分析器)
- ・グルコサミン含量:30~40% (HITACHI KLA-5;株式会社日立製作所製) インキュベート後の溶液を、ゲル浸透クロマトグラフィー (カラム:TSKgel-G 2500PWXL、TSKgel-G3000PWXL及びTSKgel-G4000PWXLの3本。溶出液は0.2M NaCl 、流速は0.6mL/分) に付し、屈折率ピークの位置の移動を観察した。

[0090]

基質としてHAを用いた場合の結果を図1に、CHを用いた場合の結果を図2に、CSAを用いた場合の結果を図3に、CSBを用いた場合の結果を図4に、CSCを用いた場合の結果を図5に、CSDを用いた場合の結果を図6に、KSを用いた場合の結果を図7にそれぞれ示す。各グラフの縦軸は屈折率を、横軸は

時間(保持時間)を示す。各図の上段はHYAL1のcDNAをトランスフェクトしていない細胞の酵素液を、下段はHYAL1のcDNAをトランスフェクトした細胞の酵素液をそれぞれ用いた場合の結果である。また図中の最も太い実線はpH7、次に太い実線はpH6、最も細い実線はpH5、点線はpH4の反応混合液中でそれぞれ反応させたときの結果を示す。グラフの中央付近に存在するピークの保持時間が、上段のグラフ(HYAL1のcDNAをトランスフェクトしていない)よりも長時間側にシフトした場合には、基質が低分子量化されたことになる。

[0091]

図1より、HYAL1のcDNAをトランスフェクトした細胞の酵素液をpH4又はpH5の条件下でHAに作用させると、中央付近に存在するピークが長時間側にシフトした(HAが低分子量化された)。このことから、HYAL1のcDNAでトランスフェクトした細胞では、HAを切断する活性を有するHYAL1が実際に発現されていることが確認された。

[0092]

図2、図4及び図7より、HYAL1のcDNAをトランスフェクトした細胞の酵素液を $pH4\sim7$ の条件下でCH、CSB又はKSに作用させても、中央付近に存在するピークのシフトは観察されなかった(これらの基質は低分子量化されなかった)。このことから、HYAL1はCH、CSB及びKSを切断する活性を実質的に有しないことが示された。

[0093]

図3、図5及び図6より、HYAL1のcDNAをトランスフェクトした細胞の酵素液をpH4又はpH5の条件下でCSA、CSC又はCSDに作用させると、中央付近に存在するピークが長時間側にシフトした(これらの基質が低分子量化された)。このことから、HYAL1はCSA、CSC及びCSDを切断する活性を有することが示された。

[0094]

以上の結果から、HYAL1はHAのみならずCSA、CSC及びCSDを切断する活性を有するが、CH、DS (CSB) 及びKSを切断する活性を実質的に有しないことが示された。

[0095]

また、インキュベート後の溶液は不飽和糖を反映する210nmの吸収を示さなかったことから、HYAL1はCSA、CSC及びCSDを加水分解により切断することが示された。

[0096]

【発明の効果】

本発明触媒及び本発明切断剤は、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する能力を有することから、このような糖鎖を特異的に切断(低分子量化)することができ極めて有用である。また本発明医薬は、生体組織中に存在するHA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断することができることから、切断を望むこのような糖鎖のみを切断し、切断を望まない糖鎖を残存させることができ極めて有用である。さらに本発明医薬(本発明触媒、本発明切断剤)は、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を加水分解により切断することから、細菌由来のリアーゼ酵素と違って不飽和も生成せず、さらに安全性が高い医薬とすることができる可能性があり、極めて有用である。

[0097]

また本発明切断方法も、HA、CSA、CSC及びCSDからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断でき極めて有用である

本発明糖鎖生産方法も、低分子量化された所定の糖鎖を特異的に、かつ簡便、 迅速、大量、安価に生産することができ極めて有用である。

[0098]

本発明触媒製造方法、本発明切断剤製造方法及び本発明医薬製造方法も、本発明触媒、本発明切断剤及び本発明医薬を簡便、迅速、大量かつ安価に製造することができ、極めて有用である。本発明融合タンパク質も、本発明触媒、本発明切断剤や本発明医薬の必須成分とすることができ、極めて有用である。

SEQUENCE LISTING

```
<110>
        Seikagaku Corporation
 <120>
        Catalyst for cleaving a sugar chain
 <130>
        J200300700
 <160>
      2
 <170>
      PatentIn version 3.1
 <210>
       1
 <211>
       1308
<212>
       DNA
<213> Homo sapiens
<220>
<221>
       CDS
<222>
       (1)...(1308)
<223>
<400> 1
atg gca gcc cac ctg ctt ccc atc tgc gcc ctc ttc ctg acc tta ctc
                                                                        48
Met Ala Ala His Leu Leu Pro Ile Cys Ala Leu Phe Leu Thr Leu Leu
1
                5
                                     10
                                                          15
gat atg gcc caa ggc ttt agg ggc ccc ttg cta ccc aac cgg ccc ttc
                                                                        96
Asp Met Ala Gln Gly Phe Arg Gly Pro Leu Leu Pro Asn Arg Pro Phe
            20
                                 25
                                                     30
acc acc gtc tgg aat gca aac acc cag tgg tgc ctg gag agg cac ggt
                                                                       144
Thr Thr Val Trp Asn Ala Asn Thr Gln Trp Cys Leu Glu Arg His Gly
        35
                             40
                                                 45
gtg gac gtg gat gtc agt gtc ttc gat gtg gta gcc aac cca ggg cag
                                                                       192
Val Asp Val Asp Val Ser Val Phe Asp Val Val Ala Asn Pro Gly Gln
```

	50					55					60						
acc	tte	c cg	gg g	c cc	t gad	atg	g aca	ati	t tto	c tai	t ag	c tc	c cag	g ct	g ggc	240)
Thr	Ph	e Ar	g Gl	y Pro	asA o) Met	tThi	· Ile	e Phe	е Туі	r Se	r Se	r Glr	ı Leı	ı Gly		
65					70					75					80		
acc	ta	c cc	ta(c tac	c acg	ccc	act	ggg	g gag	g cct	gt	g tti	t ggt	ggt	ctg	288	,
Thr	Ту	r Pro	Туз	r Tyı	r Thr	Pro	Thr	Gly	Glu	ı Pro	Va.	l Phe	e Gly	Glz	Leu		
				85					90					95			
ccc	cag	g aat	gco	ago	ctg	att	gcc	cac	ctg	gcc	cgo	c aca	a ttc	cag	gac	336	
Pro	Glr	n Asr	ı Ala	a Sei	Leu	lle	Ala	His	Leu	Ala	Arg	g Thi	Phe	Gln	Asp		
			100)				105	,				110)	•		
atc	ctg	gct	gco	ata	cct	gct	cct	gac	ttc	tca	ggg	g ctg	gca	gtc	atc	384	
Ile	Leu	ı Ala	Ala	lle	Pro	Ala	Pro	Asp	Phe	Ser	Gly	Leu	ı Ala	Val	Ile		
		115					120					125	,				
gac	tgg	gag	gca	tgg	cgc	cca	cgc	tgg	gcc	ttc	aac	tgg	gac	acc	aag	432	
Asp	Trp	Glu	Ala	Trp	Arg	Pro	Arg	Trp	Ala	Phe	Asn	Trp	Asp	Thr	Lys		
	130	;				135					140)					
gac	att	tac	cgg	cag	cgc	tca	cgg	gca	ctg	gta	cag	gca	cag	cac	cct	480	
Asp	Ile	Tyr	Arg	Gln	Arg	Ser	Arg	Ala	Leu	Val	Gln	Ala	Gln	His	Pro	•	
145					150					155					160		
gat	tgg	cca	gct	cct	cag	gtg	gag	gca	gta	gcc	cag	gac	cag	ttc	cag	528	
Asp	Trp	Pro	Ala	Pro	Gln	Val	Glu	Ala	Val	Ala	Gln	Asp	Gln	Phe	Gln		
				165	•				170					175			
gga	gct	gca	cgg	gcc	tgg	atg	gca	ggc	acc	ctc	cag	ctg	ggg	cgg	gca	576	
Gly	Ala	Ala	Arg	Ala	Trp	Met	Ala	Gly	Thr	Leu	Gln	Leu	Gly	Arg	Ala		
			180					185					190				
ctg	cgt	cct	cgc	ggc	ctc	tgg	ggc	ttc	tat	ggc	ttc	cct	gac	tgc	tac	624	
Leu	Arg	Pro	Arg	Gly	Leu	Trp	Gly	Phe	Tyr	Gly	Phe	Pro	Asp	Cys	Tyr		
		195					200					205					
aac	tat	gac	ttt	cta	agc	ссс	aac	tac	acc	ggc	cag	tgc	cca	tca	ggc	672	

Asn T	ſyr	Asp	Phe	Leı	ı Sei	Pro	Asn	ту Ту	Th:	r Gly	y Gl	n Cy	s Pr	o Se:	r Gly	
2	210					215	,				220	0				
atc c	gt	gcc	caa	aat	gac	cag	cta	ggg	tgg	g ctg	g tgg	g ggo	c ca	g ago	c cgt	720
Ile A																
225					230					235					240	
gcc c	tc	tat	ссс	ago	atc	tac	atg	ccc	gca	gtg	ctg	g gag	g ggo	aca	ı ggg	768
Ala L																
				245					250				_	255		
aag to	ca	cag	atg	tat	gtg	caa	cac	cgt	gtg	gcc	gag	gca	ttc	cgt	gtg	816
Lys Se																
			260					265					270			
gct gi	tg į	gct	gct	ggt	gac	ccc	aat	ctg	ccg	gtg	ctg	ccc	tat	gtc	cag	864
Ala Va																
		275					280					285				
atc tt	tc t	tat g	gac	acg	aca	aac	cac	ttt	ctg	ccc	ctg	gat	gag	ctg	gag	912
Ile Ph																
29						295					300					
cac ag	gc c	tg g	ggg g	gag	agt	gcg	gcc	cag	ggg	gca	gct	gga	gtg	gtg	ctc	960
His Se																
305					310					315					320	
tgg gt	g a	gc t	gg g	gaa	aat	aca	aga	acc	aag	gaa	tca	tgt	cag	gcc	atc	1008
Trp Va																
				325					330					335		
aag gag	g ta	at a	tg g	ac	act a	aca o	ctg g	ggg	ccc	ttc	atc	ctg	aac	gtg	acc	1056
Lys Glu																
			40					345					350			
agt ggg	g go	cc c	tt c	tc	tgc a	agt c	aa g	gcc (ctg	tgc	tcc	ggc	cat	ggc	cgc	1104
Ser Gly																
	35						60					365		-	-	

tgt gtc cgc cgc acc agc cac ccc aaa gcc ctc ctc ctc ctt aac cct 1152 Cys Val Arg Arg Thr Ser His Pro Lys Ala Leu Leu Leu Leu Asn Pro 370 375 380 gcc agt ttc tcc atc cag ctc acg cct ggt ggt ggg ccc ctg agc ctg 1200 Ala Ser Phe Ser Ile Gln Leu Thr Pro Gly Gly Pro Leu Ser Leu 385 390 395 400 cgg ggt gcc ctc tca ctt gaa gat cag gca cag atg gct gtg gag ttc 1248 Arg Gly Ala Leu Ser Leu Glu Asp Gln Ala Gln Met Ala Val Glu Phe 405 410 415 aaa tgt cga tgc tac cct ggc tgg cag gca ccg tgg tgt gag cgg aag 1296 Lys Cys Arg Cys Tyr Pro Gly Trp Gln Ala Pro Trp Cys Glu Arg Lys 420 425 430 agc atg tgg tga 1308 Ser Met Trp 435

<210> 2

<211> 435

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 2

Met Ala Ala His Leu Leu Pro Ile Cys Ala Leu Phe Leu Thr Leu Leu 1 5 10 15

Asp Met Ala Gln Gly Phe Arg Gly Pro Leu Leu Pro Asn Arg Pro Phe 20 25 30

Thr Thr Val Trp Asn Ala Asn Thr Gln Trp Cys Leu Glu Arg His Gly

7	35		40		45	
	Val Asp Val Asp	Val Ser Va	al Phe Asp	Val Val A	la Asn Pro	Glv Gln
	50	55		•	0	,
	Thr Phe Arg Gly	Pro Asp Me	t Thr Ile	Phe Tyr S	er Ser Gln	Leu Glv
	65	70		75		80
	Thr Tyr Pro Tyr	Tyr Thr Pr	o Thr Gly	Glu Pro V	al Phe Gly	
		85		90	•	95
	Pro Gln Asn Ala	Ser Leu Ile	e Ala His	Leu Ala A	rg Thr Phe	
	100		105		110	
	Ile Leu Ala Ala	Ile Pro Ala	a Pro Asp	Phe Ser Gl		Val Ile
	115		120		125	
	Asp Trp Glu Ala	Trp Arg Pro	Arg Trp	Ala Phe As	n Trp Asp	Thr Lvs
	130	135		14	•	
	Asp Ile Tyr Arg	Gln Arg Ser	Arg Ala I	æu Val Gl	n Ala Gin i	His Pro
	145	150		155		160
	Asp Trp Pro Ala I	Pro Gln Val	Glu Ala V	al Ala Gl	n Asp Gln 1	
		165		70	•	175
	Gly Ala Ala Arg A	lla Trp Met	Ala Gly T	hr Leu Gli	n Leu Gly A	rg Ala
	180		185		190	
	Leu Arg Pro Arg G	ly Leu Trp	Gly Phe T	yr Gly Phe	Pro Asp C	ys Tyr
	195		200		205	
	Asn Tyr Asp Phe L	eu Ser Pro	Asn Tyr Tl	nr Gly Gln	Cys Pro S	er Gly
	210	215		220		
	Ile Arg Ala Gln A	sn Asp Gln	Leu Gly Tr	p Leu Trp	Gly Gln S	er Arg
	225	230		235		240
	Ala Leu Tyr Pro Se	er Ile Tyr	Met Pro Al	a Val Leu	Glu Gly Ti	nr Gly
	24	15	25	0	25	55
]	Lys Ser Gln Met Ty	r Val Gln H	His Arg Va	l Ala Glu	Ala Phe Ar	g Val
	260		265		270	

•
Ala Val Ala Ala Gly
275
Ile Phe Tyr Asp Thr
290
His Ser Leu Gly Glu
305
Trp Val Ser Trp Glu
325
Lys Glu Tyr Met Asp
340
Ser Gly Ala Leu Leu
355
Cys Val Arg Arg Thr
370
Ala Ser Phe Ser Ile
385

Ala Val Ala Ala Gly Asp Pro Asn Leu Pro Val Leu Pro Tyr Val Gln 275 280 285

Ile Phe Tyr Asp Thr Thr Asn His Phe Leu Pro Leu Asp Glu Leu Glu 290 295 300

His Ser Leu Gly Glu Ser Ala Ala Gln Gly Ala Ala Gly Val Val Leu 305 310 315 320

Trp Val Ser Trp Glu Asn Thr Arg Thr Lys Glu Ser Cys Gln Ala Ile 325 330 335

Lys Glu Tyr Met Asp Thr Thr Leu Gly Pro Phe Ile Leu Asn Val Thr 340 345 350

Ser Gly Ala Leu Cys Ser Gln Ala Leu Cys Ser Gly His Gly Arg 355 360 365

Cys Val Arg Arg Thr Ser His Pro Lys Ala Leu Leu Leu Leu Asn Pro 370 375 380

Ala Ser Phe Ser Ile Gln Leu Thr Pro Gly Gly Gly Pro Leu Ser Leu 385 390 395 400

Arg Gly Ala Leu Ser Leu Glu Asp Gln Ala Gln Met Ala Val Glu Phe
405 410 415

Lys Cys Arg Cys Tyr Pro Gly Trp Gln Ala Pro Trp Cys Glu Arg Lys
420
425
430

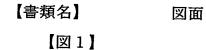
Ser Met Trp

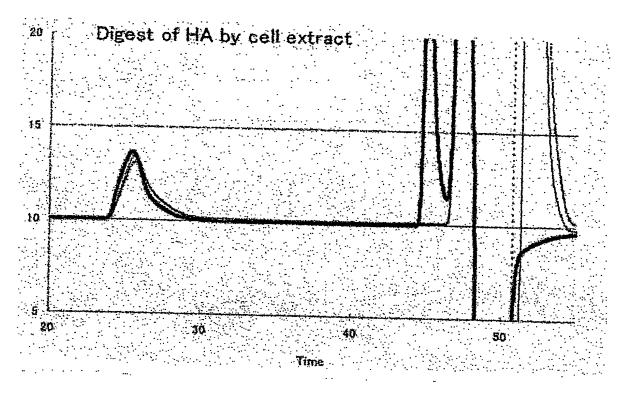
435

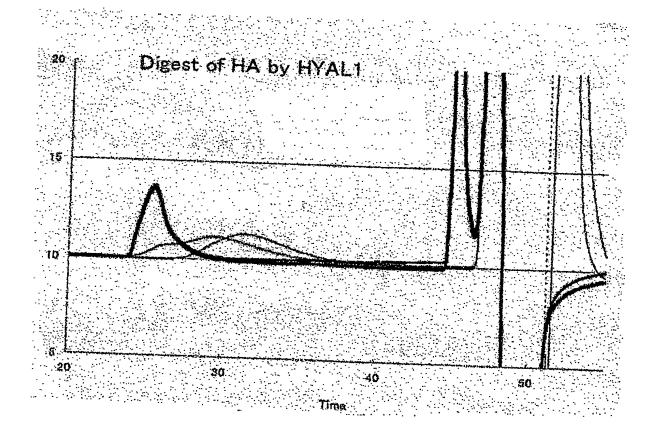
【図面の簡単な説明】

- 【図1】 HYAL1の基質としてHAを用いた場合の結果を示す。
- 【図2】 HYAL1の基質としてCHを用いた場合の結果を示す。
- 【図3】 HYAL1の基質としてCSAを用いた場合の結果を示す。
- 【図4】 HYAL1の基質としてCSBを用いた場合の結果を示す。
- 【図5】 HYAL1の基質としてCSCを用いた場合の結果を示す。
- 【図6】 HYAL1の基質としてCSDを用いた場合の結果を示す。

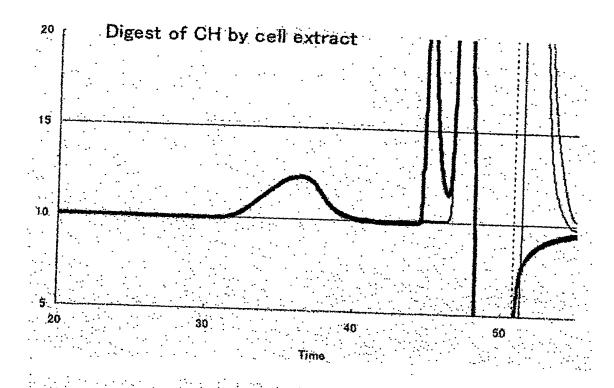
【図7】 HYAL1の基質としてKSを用いた場合の結果を示す。

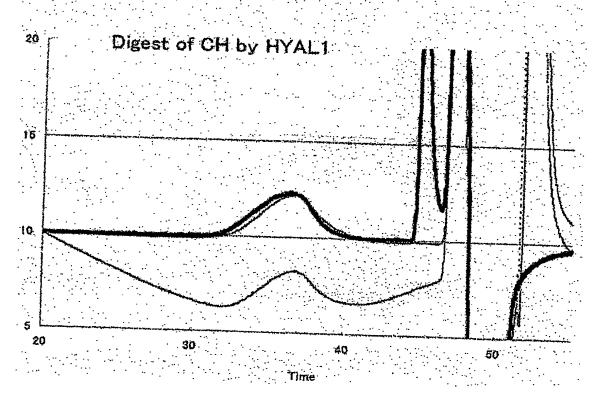




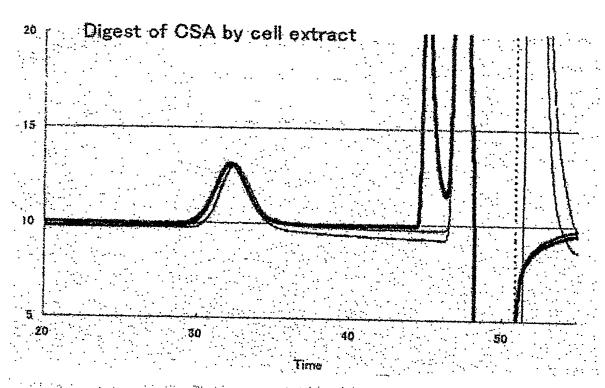


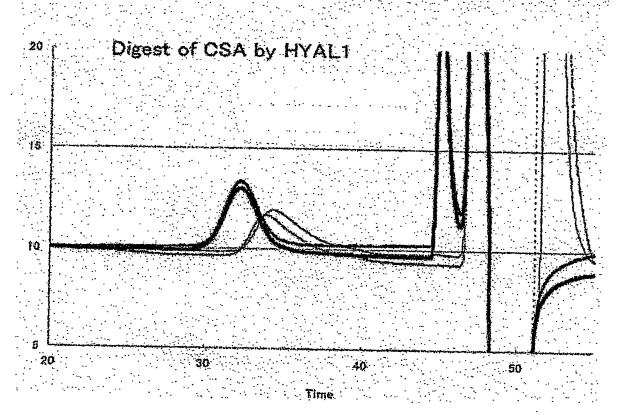




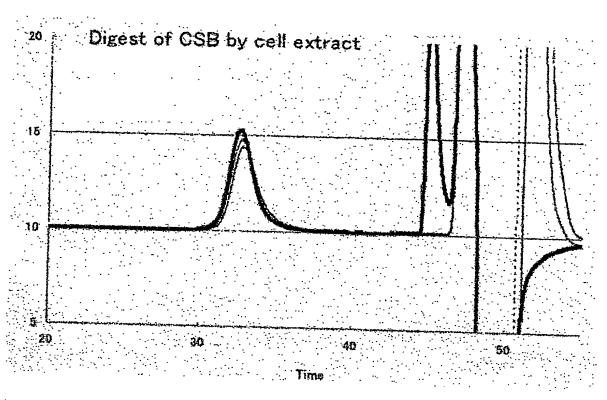


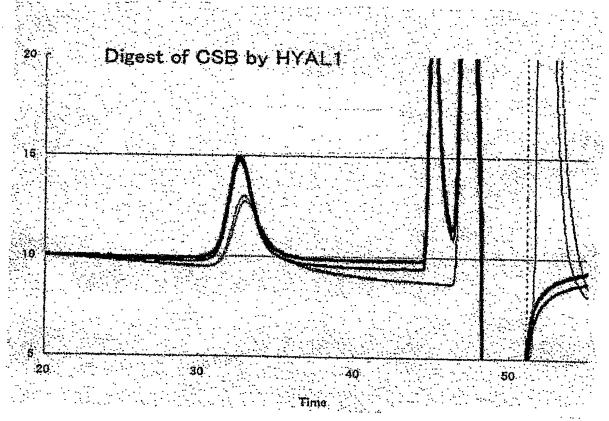




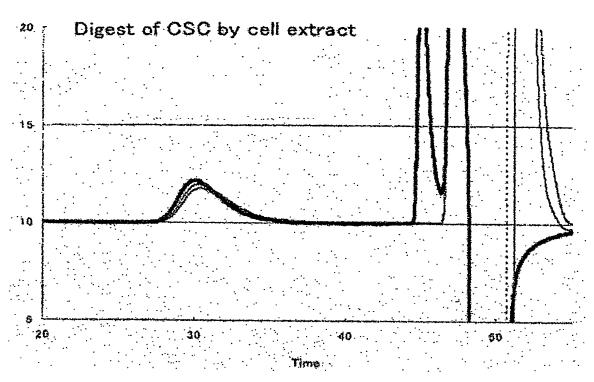


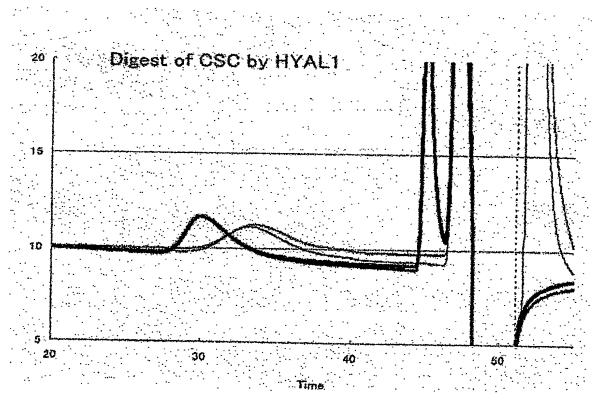




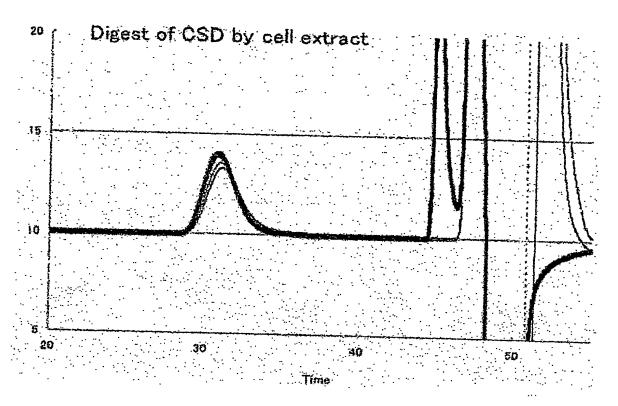


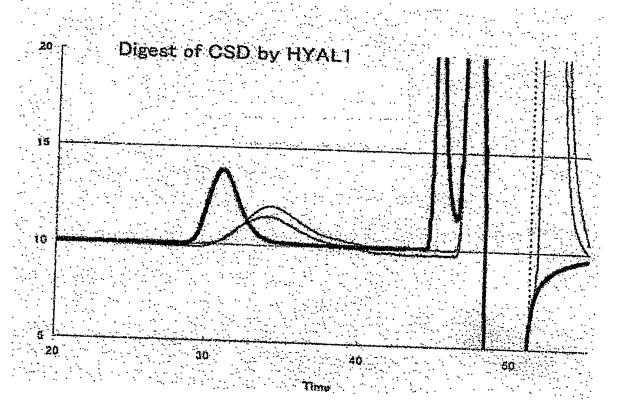






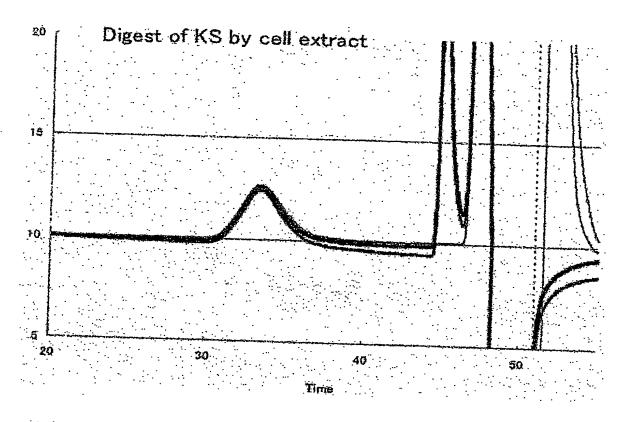


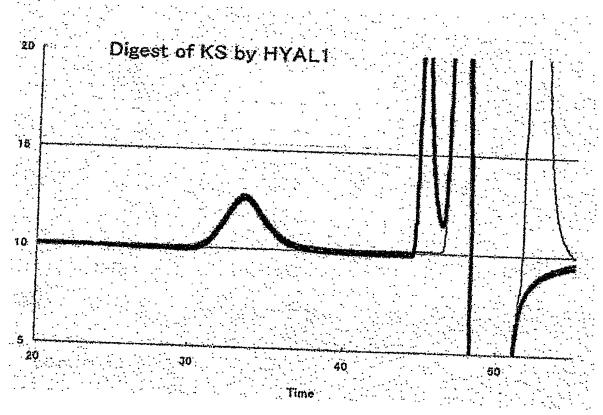






【図7】







【書類名】 要約書

【要約】

【課題】 ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する触媒等を提供すること。

【解決手段】 下記(A) 又は(B) のタンパク質を必須成分とし、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する能力を有する触媒。

- (A) 配列番号2で示されるアミノ酸配列を含むタンパク質。
- (B) 配列番号2で示されるアミノ酸配列における1もしくは数個のアミノ酸が欠失、置換、挿入又は転位したアミノ酸配列を含み、かつ、ヒアルロン酸、コンドロイチン硫酸A、コンドロイチン硫酸C及びコンドロイチン硫酸Dからなる群から選ばれる1又は2以上の糖鎖を特異的に切断する活性を有するタンパク質。

【選択図】 なし



認定・付加情報

特許出願の番号

特願2003-097301

受付番号

50300537984

書類名

特許願

担当官

田丸 三喜男 9079

作成日

平成15年 4月 2日

<認定情報・付加情報>

【提出日】

平成15年 3月31日



特願2003-097301

出願人履歴情報

識別番号

[000195524]

1. 変更年月日

1990年 8月20日

[変更理由]

新規登録

住 所

東京都中央区日本橋本町2丁目1番5号

氏 名 生化学工業株式会社

This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning Operations and is not part of the Official Record

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:
BYACK BORDERS
IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
☐ FADED TEXT OR DRAWING
☐ BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING
☐ SKEWED/SLANTED IMAGES
COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS
GRAY SCALE DOCUMENTS
☐ LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT
REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY
OTHER:

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.